

## INFORME DE RESULTADOS DE LA PRUEBA RT-PCR (TAAN) PARA SARS-CoV-2

NOMBRE DEL PACIENTE: NOMBRE APP1 APP2

DNI/NIE/PASAPORTE: IDENTIFICACION

FECHA DE NACIMIENTO: 20/11/1995

GÉNERO: MUJER

MOTIVO: Motivo de la prueba de ejemplo

CÓDIGO DE MUESTRA: TEST\_PCR

NOMBRE DE LA PRUEBA: Prueba RT-PCR (TAAN – Test de Amplificación Ácidos Nucleicos) para SARS-CoV-2.

MUESTRA RECIBIDA: Hisopado nasofaríngeo.

## OBJETIVO DEL ESTUDIO GENÉTICO:

El objetivo de este procedimiento es detectar por RT-PCR (TAAN) tres genes específicos de la cepa viral patógena SARS-CoV-2, mediante la utilización del kit TaqPath COVID-19 CE-IVD RT-PCR Kit (ThermoFisher, USA), que detecta simultáneamente tres regiones altamente conservadas (genes que codifican para ORF1ab, N Protein y S Protein) del virus RNA SARS-CoV-2, junto con un control positivo interno (MS2-IPC) en una única reacción de PCR.

## ANÁLISIS REALIZADO - METODOLOGÍA:

- Obtención del RNA viral utilizando el siguiente reactivo y kit comercial:
  - Viral MagBead (Zymo Research)
- Purificación del RNA viral utilizando la siguiente plataforma automática:
  - Nucleic Acid Purification System PurePrep 96 (Molgen)
- RT-PCR (TAAN) utilizando el kit TaqPath COVID-19 CE-IVD RT-PCR Kit (ThermoFisher) y detección de las regiones ORF1ab, N Protein y S Protein del virus SARS-CoV-2 en:
  - QuantStudio 5 Real-Time PCR instrument (ThermoFisher)

## RESULTADO:

Resultado de la prueba RT-PCR (TAAN) para SARS-CoV-2

**POSITIVO**

Carga vírica y CTs de SARS-CoV-2 en la muestra\*

**MEDIA**

CT ORF 1ab: 27,3

CT N Protein: 27,1

CT S Protein: 27,2

\* El nivel de carga viral informada se infiere a partir de los datos de CTs (Cycle Threshold) de los tres genes de SARS-CoV-2 obtenidos tras el procesamiento de su muestra. Se puede considerar que un valor medio menor de 25 correlaciona con una carga viral alta; de 25 a 32 media y por encima de 32 baja. Para casos negativos, no es aplicable. Los CTs para resultados positivos de COVID, indican el número de duplicaciones (ciclos) necesarios para confirmar una presencia positiva de cada uno de los tres genes COVID que detectamos para determinar un diagnóstico clínico. Los números más bajos indican una carga viral más alta, lo que significa un caso más grave: mayor capacidad de contagio y, en general, mayor tiempo para recuperarse y obtener un resultado no contagioso (negativo).

Las nuevas variantes de SARS-CoV-2 pueden alterar los valores de CTs de algunos genes. No obstante, esta prueba detecta todas las variantes que se han identificado del virus.

El procedimiento y los resultados obtenidos han sido validados por:

Firma:



Nombre y apellidos:

Test DoctorName in Release Environment, Ldo. 1234567890

Este documento es propiedad de Life Length S.L. Queda prohibida su difusión o distribución total o parcial sin su correspondiente aprobación escrita.

Miguel Ángel, 11 – 2ª planta  
28010 Madrid, España  
T + (34) 91 737 1298  
[www.lifelength.com](http://www.lifelength.com)