

INFORME DE RESULTADOS DE LA PRUEBA RT-PCR (TAAN) PARA SARS-CoV-2

NOMBRE DEL PACIENTE: TESTCITA APELLIDOSCITA

DNI/NIE/PASAPORTE: 99999999Z

FECHA DE NACIMIENTO: 11/07/1977

GÉNERO: MUJER

MOTIVO:

CÓDIGO DE MUESTRA: FALSA00011

NOMBRE DE LA PRUEBA: Prueba RT-PCR (TAAN – Test de Amplificación Ácidos Nucleicos) para SARS-CoV-2.

MUESTRA RECIBIDA: Hisopado nasofaríngeo.



OBJETIVO DEL ESTUDIO GENÉTICO:

El objetivo de este procedimiento es detectar por RT-PCR (TAAN) genes específicos de la cepa viral patógena SARS-CoV-2, mediante la utilización del kit TaqPath COVID-19 CE-IVD RT-PCR Kit (Thermofisher) o del BGI CE-IVD RT-PCR Kit (BGI), que detecta simultáneamente genes que codifican para proteínas del virus RNA SARS-CoV-2, junto con un control positivo interno en una única reacción de PCR analizado en 40 ciclos.

ANÁLISIS REALIZADO - METODOLOGÍA:

- Obtención del RNA viral utilizando el siguiente reactivo y kit comercial:
 - Viral MagBead (Zymo Research)
- RT-PCR (TAAN) utilizando kits CE-IVD:
 - QuantStudio 5 Real-Time PCR instrument (Thermofisher)

RESULTADO:

Resultado de la prueba RT-PCR (TAAN) para SARS-CoV-2

NEGATIVO

Carga vírica y CTs de SARS-CoV-2 en la muestra*

NO DETECTADA

CT ORF1ab: N.A.

CT N Protein: N.A.

CT S Protein: N.A.

* El nivel de carga viral informada se infiere a partir de los datos de CTs (Cycle Threshold) de los tres genes de SARS-CoV-2 obtenidos tras el procesamiento de su muestra. Se puede considerar que un valor medio menor de 25 correlaciona con una carga viral alta; de 25 a 32 media y por encima de 32 baja. Para casos negativos, no es aplicable. Los CTs para resultados positivos de COVID, indican el número de duplicaciones (ciclos) necesarios para confirmar una presencia positiva de cada uno de los tres genes COVID que detectamos para determinar un diagnóstico clínico. Los números más bajos indican una carga viral más alta, lo que significa un caso más grave: mayor capacidad de contagio y, en general, mayor tiempo para recuperarse y obtener un resultado no contagioso (negativo).

Las nuevas variantes de SARS-CoV-2 pueden alterar los valores de CTs de algunos genes. No obstante, esta prueba detecta todas las variantes que se han identificado del virus.

El procedimiento y los resultados obtenidos han sido validados por:

Firma:



Nombre y apellidos:

Ernesto, Ldo XXXXXXXXXXXX

Este documento es propiedad de Life Length S.L. Queda prohibida su difusión o distribución total o parcial sin su correspondiente aprobación escrita.

General Martínez Campos, 46
28010 Madrid, España
T + (34) 91 737 1298
www.lifelength.com

RT-PCR (NAAT) TEST RESULTS REPORT FOR SARS-CoV-2

PATIENT'S NAME: TESTCITA APELLIDOSCITA

ID/PASSPORT: 99999999Z

DATE OF BIRTH: 11/07/1977

GENDER: FEMALE

REASON:

SAMPLE CODE: FALSA00011

TEST NAME: RT-PCR test (NAAT - Nucleic Acid Amplification Test) for SARS-CoV-2.

SAMPLE RECEIVED: Nasopharyngeal swab.



OBJECTIVE OF THE GENETIC STUDY:

The objective of this procedure is to detect by RT-PCR (TAAN) specific genes of the pathogenic SARS-CoV-2 viral strain, using the TaqPath COVID-19 CE-IVD RT-PCR Kit (Thermofisher) or the BGI CE-IVD RT-PCR Kit (BGI), which simultaneously detects genes coding for SARS-CoV-2 RNA virus proteins, together with an internal positive control in a single PCR reaction analyzed in 40 cycles.

ANALYSIS CARRIED OUT - METHODOLOGY:

- Obtaining the viral RNA using the following reagents and commercial kits:
 - Viral MagBead (Zymo Research)
- RT-PCR (NAAT) using CE-IVD kits:
 - QuantStudio 5 Real-Time PCR instrument (Thermofisher)

RESULT:

RT-PCR Test (NAAT) Result for SARS-CoV-2

NEGATIVE

Viral load and CTs for SARS-CoV-2 in the sample*

NOT DETECTED

CT ORF1ab: N.A.

CT N Protein: N.A.

CT S Protein: N.A.

* We inform the viral load inferred from the CTs (Cycle Threshold) of the three SARS-CoV-2 genes from the analysis of your sample. An average value less than 25 is considered high, from 25 to 32 medium and above 32 low. For negative cases, this is not applicable. The CTs for positive COVID results indicate the number of duplications (cycles) to confirm a positive presence of each of the three COVID genes that we detect to determine a clinical diagnosis. Lower numbers indicate higher viral load meaning a more severe case; greater capacity for contagiousness and, in general, a longer time to recover and obtain a non-contagious (negative) result.

The new SARS-CoV-2 variants may impact the CT values of certain genes. However, our test detects all the known variants of the virus.

The procedure and the results obtained have been validated by:

Signature:

Name and surname:

Ernesto, Ldo XXXXXXXXXXXX

